

 Agence nationale de sécurité du médicament et des produits de santé	Contrôle National de Qualité des examens de biologie médicale - Bactériologie 16BAC2
	Muriel FROMAGE (ANSM) Nicolas VEZIRIS / Alexandra AUBRY (CNR mycobactéries)
Expédition - Clôture	01/12/2016 - 30/01/2017

RESULTATS ATTENDUS

Chaque LBM inscrit à l'opération CNQ 16BAC2 « mycobactéries » a reçu un panel de cinq souches cultivées sur Lowenstein Jensen.

Les 26 laboratoires ayant déclaré ne réaliser que l'identification (au minimum *Mycobacterium tuberculosis* complex) ont reçu le Panel 1.

Les 57 laboratoires ayant déclaré réaliser l'identification (au minimum *M. tuberculosis* complex) et l'antibiogramme (au minimum la détection de la résistance à la rifampicine pour *M. tuberculosis*) ont reçu le Panel 2.

Le tableau ci-dessous récapitule la composition des deux panels ainsi que les numéros d'échantillons attribués à chaque souche :

		N° échantillon	Panel 1	Panel 2	Effectif LBM
<i>M. tuberculosis</i> sensible (souche H37Rv)	souche A	736 ou 970	X	X	83
<i>M. tuberculosis</i> sensible	souche B	326 ou 502	X		26
<i>M. tuberculosis</i> sensible	souche C	185 ou 921	X		26
<i>M. fortuitum</i> (souche ATCC 6841)	souche D	224 ou 628	X	X	83
<i>M. intracellulare</i> (souche ATCC 13950)	souche E	113 ou 317	X	X	83
<i>M. tuberculosis</i> RIF-R	souche F	651 ou 839		X	57
<i>M. tuberculosis</i> INH-R	souche G	230 ou 472		X	57

IDENTIFICATION

⇒ <i>M. tuberculosis</i>	souche A	736 ou 970
--------------------------	----------	------------

Réponse attendue : *Mycobacterium tuberculosis* sensu stricto ou *M. tuberculosis* complex.

Réponses des 83 participants :

Mycobacterium tuberculosis complex (49), *Mycobacterium tuberculosis* sensu stricto (33), *Mycobacterium canettii* (1).

⇒ <i>M. tuberculosis</i>	souche B	326 ou 502
--------------------------	----------	------------

Réponse attendue : *Mycobacterium tuberculosis* sensu stricto ou *M. tuberculosis* complex.

Réponses des 26 participants :

Mycobacterium tuberculosis complex (23), *Mycobacterium tuberculosis* sensu stricto (2), *Mycobacterium canettii* (1).

⇒ <i>M. tuberculosis</i>	souche C	185 ou 921
--------------------------	----------	------------

Réponse attendue : *Mycobacterium tuberculosis* sensu stricto ou *M. tuberculosis* complex.

Réponses des 26 participants :

Mycobacterium tuberculosis complex (23), *Mycobacterium tuberculosis* sensu stricto (2), *Mycobacterium canettii* (1).

⇒ <i>M. fortuitum</i>	souche D	224 ou 628
-----------------------	----------	------------

Réponse attendue : Mycobacterium fortuitum ou mycobactérie non tuberculeuse (autre que M.tuberculosis complex).

Réponses des 83 participants :

M. fortuitum (59), mycobactérie non tuberculeuse (22), M. fortuitum complex (2).

⇒ <i>M. intracellulare</i>	souche E	113 ou 317
----------------------------	----------	------------

Réponse attendue : Mycobacterium intracellulare ou Mycobacterium avium complex ou mycobactérie non tuberculeuse (autre que M.tuberculosis complex).

Réponses des 83 participants :

M. intracellulare (48), mycobactérie non tuberculeuse (21), M. chimaera (7), Mycobacterium avium complex (2), M.avium-M.intracellulare-M.scrofulaceum (1), autres : M. intracellulare groupe (2) et Mycobacterium intracellulare/chimaera (2).

⇒ <i>M. tuberculosis</i>	souche F	651 ou 839
--------------------------	----------	------------

Réponse attendue : Mycobacterium tuberculosis sensu stricto ou M. tuberculosis complex.

Réponses des 57 participants :

Mycobacterium tuberculosis sensu stricto (30), Mycobacterium tuberculosis complex (27).

⇒ <i>M. tuberculosis</i>	souche G	230 ou 472
--------------------------	----------	------------

Réponse attendue : Mycobacterium tuberculosis sensu stricto ou M. tuberculosis complex.

Réponses des 57 participants :

Mycobacterium tuberculosis sensu stricto (30), Mycobacterium tuberculosis complex (27).

**ANTIBIOGRAMME *Mycobacterium tuberculosis* :
rifampicine, isoniazide, éthambutol, streptomycine**

⇒ <i>M. tuberculosis</i>	souche A	736 ou 970
--------------------------	----------	------------

	Réponses attendues	Réponses des participants							
		Atbg génotypique				Atbg phénotypique			
		total	S	R	-	total	S	R	-
RIF	sensible	38	35	0	3	50	46	1	3
INH	sensible	30	28	0	2	50	46	1	3
EMB	sensible	7	5	0	2	50	45	2	3
STR	sensible *	4	2	0	2	50	34	12	4

* : souche H37Rv sensible à la streptomycine mais proportion anormale de mutants résistants

⇒ <i>M. tuberculosis</i>	souche F	651 ou 839
--------------------------	----------	------------

	Réponses attendues	Réponses des participants							
		Atbg génotypique				Atbg phénotypique			
		total	S	R	-	total	S	R	-
RIF	résistant *	43	0	42	1	50	0	48	2
INH	sensible	35	33	0	2	50	48	0	2
EMB	sensible	8	6	0	2	50	48	0	2
STR	sensible	5	3	0	2	50	47	1	2

* : mutation *rpoB* S531L

⇒ <i>M. tuberculosis</i>	souche G	230 ou 472
--------------------------	----------	------------

	Réponses attendues	Réponses des participants							
		Atbg génotypique				Atbg phénotypique			
		total	S	R	-	total	S	R	-
RIF	sensible	41	38	0	3	51	49	0	2
INH	résistant *	35	0	34	1	51	1	48	2
EMB	sensible	9	7	0	2	50	48	0	2
STR	sensible	5	3	0	2	51	48	1	2

* : mutation *katG* S315T